

Séquence SEQ ID n° 1

1 ATTTGGGATATCTTAAATTTAGCACAGAAGAATGTTTAAATGAAATAAAGATAATAAAAA
-----> P385
61 GATATATTAATTATATAGCTGAAAATTTATAATTATATGATAAGTATAGTTAATAAATAA
121 AAAGTGTCTCGGGGACACTTTTTTGTTTTAAAAAGGAAAATATAAATAAAATTTAGAT
181 AAAAGTGAAAATAATTATTTTATTTTAAATTTGTTAAAAATTTGATATAATTGAATTG
241 TAAAAAAATTTTCAGGGGGAATATAAATGAAAAAATTATTTCAAAGTTTACTGTAATT
1 M K K I I S K F T V I
301 TTTATGTTTTTCATGTTTTCTTATTGTTGGAGCAATAAGTCCAATGAAAGCAAGTGCAAAA
12 F M F S C F L I V G A I S P M K A S A K
361 GAAATCGACGCTTATAGAAAGGTAATGGAGAATTATCTTAATGCTTTAAAAAACTACGAT
32 E I D A Y R K V M E N Y L N A L K N Y D
421 ATTAATACAGTTGTAAACATTTTCAGAAGATGAAAGAGTAAATAATGTTGAACAGTATAGA
52 I N T V V N I S E D E R V N N V E Q Y R
481 GAAATGTTAGAAGATTTTAAATATGATCCTAACCAACAACCTGAAATCTTTTGAAATACCT
72 E M L E D F K Y D P N Q Q L K S F E I L
541 AATTCACAAAAGAGCGATAATAAAGAAATATTTAATGTAAAAACTGAATTTTAAATGGT0
92 N S Q K S D N K E I F N V K T E F L N G
601 GCAATTTATGATATGGAATTTACTGTATCATCTAAAGATGGAAAATTAATAGTATCTGAT
112 A I Y D M E F T V S S K D G K L I V S D
661 ATGGAAGAACAAGTTGAGAAATGAAGGAAAATATATTTTAACACCATCATTAGAACT
132 M E R T K V E N E G K Y I L T P S F R T
721 CAAGTTGTACATGGGATGATGAAGTAGCACAAGCAATGGGGGAGTTTATCCACAAACA
152 Q V C T W D D E L A Q A I G G V Y P Q T
781 TATTCTGATAGATTTACATATTATGCAGATAATATATTATTAAACTTCAGACAAATATGCA
172 Y S D R F T Y Y A D N I L L N F R Q Y A
841 ACTTCAGGTTCAAGAGATTTAAAAGTAGAATATAGTGTGTAGATCATTGGATGTGGAAA
192 T S G S R D L K V E Y S V V D H W M W K
901 GATGATGTTAAAGCTTCTCAAATGGTATATGGTCAAATCCTGATTCTGCTAGACAAATA
212 D D V K A S Q M V Y G Q N P D S A R Q I
961 AGATTATATATAGAAAAAGGACAATCTTTCTATAAATATAGAATAAGAATTA AAAACTTT
232 R L Y I E K G Q S F Y K Y R I R I K N F
1021 ACACCTGCATCAATTAGAGTATTTGGTGAAGGGTATTGTGCATAGAAAAAATATGAAGT
252 T P A S I R V F G E G Y C A * <-----
1081 GACTTAGTCACTTCATATTTTTTTTACTATTAATTTTATTATATAAAAACCTAACATACA
----->
1141 TGAAAGTATTCTTAATACAGTTATATCAAAATTAAGTAGGGGAAATAAAATAAAAGGCT
1201 AAAAATATATTA AAAAATATA AAAAATTAATAATAGGTTTAAAGGTGTTATATTTATT
1261 TATGATTATAGGAATAAATATGCCAAATGGAATAAATAAAGTAATATTAATAATGGTC
1321 TAAAAAGTATACATCATTGATAAAAGAAAAATTACCAGTAAAAATTGAGCTTAAAAAATT
P393 <-----
1381 AAATGTAAATTT 1392

Séquence SEQ ID n° 2

1 ATTTGGGATATCTTAAATTTAGCACAGAAGAATGTTTAAATGAAATAAAGATAATAAAAA
-----> P385
61 GATATATTAATTATATAGCTGAAAATTTATAATTATATGATAAGTATAGTTAATAAATAA
121 AAAGTGTTCTCGGGGACACTTTTGTGTTTAAAAAGGAAAATATAAATAAAATTTAGAT
181 AAAAGTGTAATAATAATTATTTTATTTTAAATTTGTAAAAATTTGATATAATTGAATTG
241 TAAAAAAATTTTCAGGGGGGAATATAAATGAAAAAATTATTTCAAAGTTTACTGTAATT
1
301 TTTATGTTTTTCATGTTTTCTTATTGTT

Séquence SEQ ID n° 3

10
15
20
25
F M F S C F D I V G A I S P M K A S A
M K K I I S K F T V I
GGAGCAATAAGTCCAATGAAAGCAAGTGCAAAA
GAAATCGACGCTTATAGAAAGGTAATGGAGAATTATCTTAATGCTTTAAAAACTAC

Séquence SEQ ID n° 4

P318 : 5'-GAAATGTTTACAACGTATTAATATCGTAG-3'

Séquence SEQ ID n° 5

P292 : 5'-TCAAGTTTGTACATGGGATGATG-3'